

FIG. 1

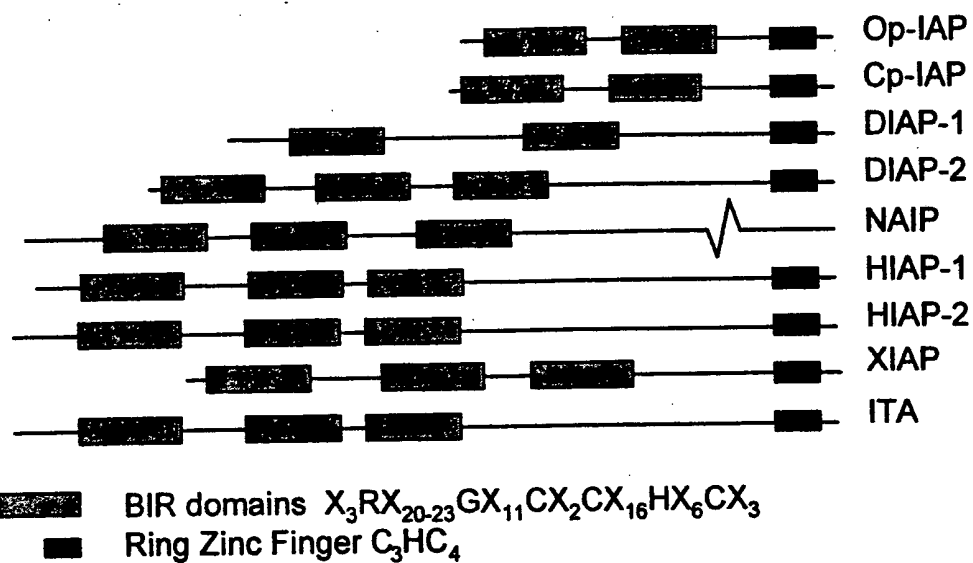


FIG. 2

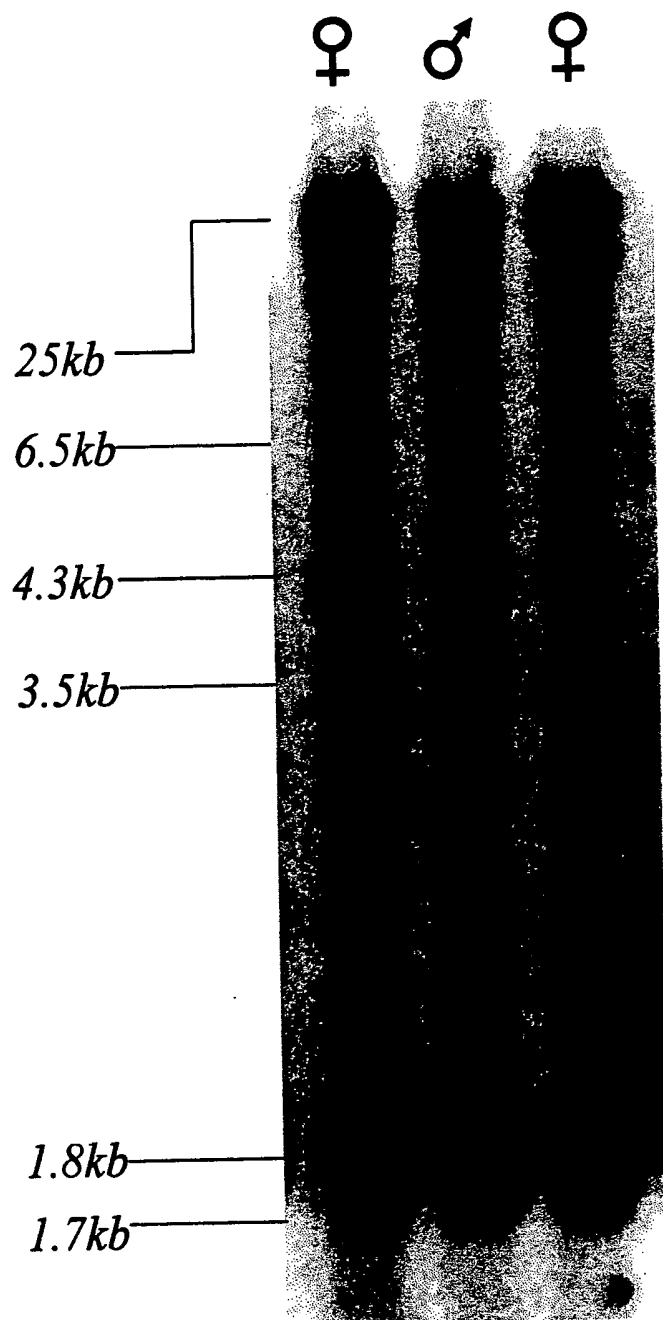
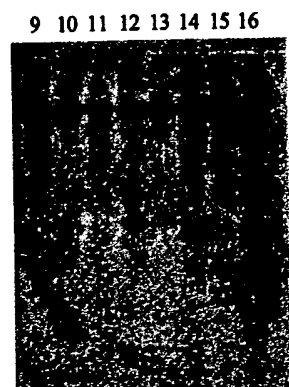
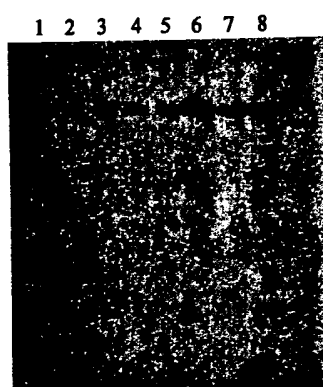


FIG. 3

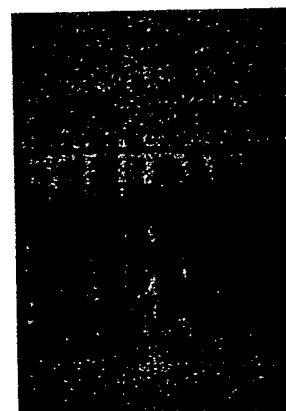
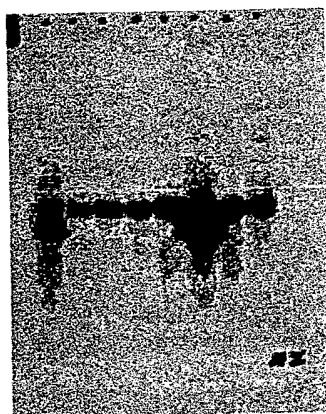
XIAP



← 9.5 kb

← 2.2 kb

Actin
control



1. Heart
2. Brain
3. Placenta
4. Lung
5. Liver
6. Smooth muscle
7. Kidney
8. Pancreas

9. Spleen
10. Thymus
11. Prostate
12. Testis
13. Ovary
14. Small intestine
15. Colon
16. Peripheral blood leukocyte

FIG. 4A



[illegible]

```

1  MTGYEARLITFGTWMYSVNKEQLARAGFYAIGQEDKVKCFHCGGGLANWK 50
  |.:|||:|:|||||:|||||:|||||:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|
273 MADYEARIFTFTGTWIYSVNKEQLARAGFYALGEGDKVKCFHCGGGLTDWK 322
  |.:|||:|:|||||:|||||:|||||:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|
51  PKEDPWEQHAKWYPGCKYLLEEKGHEYINNIHLTRSLEGALVQTTKKTPS 100
  |.:|||:|:|||||:|||||:|||||:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|
323 PSEDPWEQHAKWYPGCKYLLEQKGQEYINNIHLTHSLEECLVRTTEKTPS 372
  |.:|||:|:|||||:|||||:|||||:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|
101 LTKRISDTIFPNPMLQEAIRMGFDFKDVKKIMEERIQTSGSNYKTLEVLV 150
  |:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|
373 LTRRIDDTIFQNPVMQEAIRMGFSFKDIKKIMEEKIQISGSNYKSLEVLV 422
  |:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|
151 ADLVSAQKDDTENELNQTSLQREISPPEPLRRLQEEKLCKIOMDRYIAVV 200
  |:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|
423 ADLVNAQKDSMQDESSQTSLQKEISTEEQLRRLQEEKLCKIOMDRNIAIV 472
  |:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|
201 FIPCGHLVTCKQCAEAVDRCPMCSAVIDFKQRFVMS 236
  |:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|
473 FVPCGHLVTCKQCAEAVDKCPMCTVITFKQKIFMS 508
  |:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|:|

```

FIG. 5

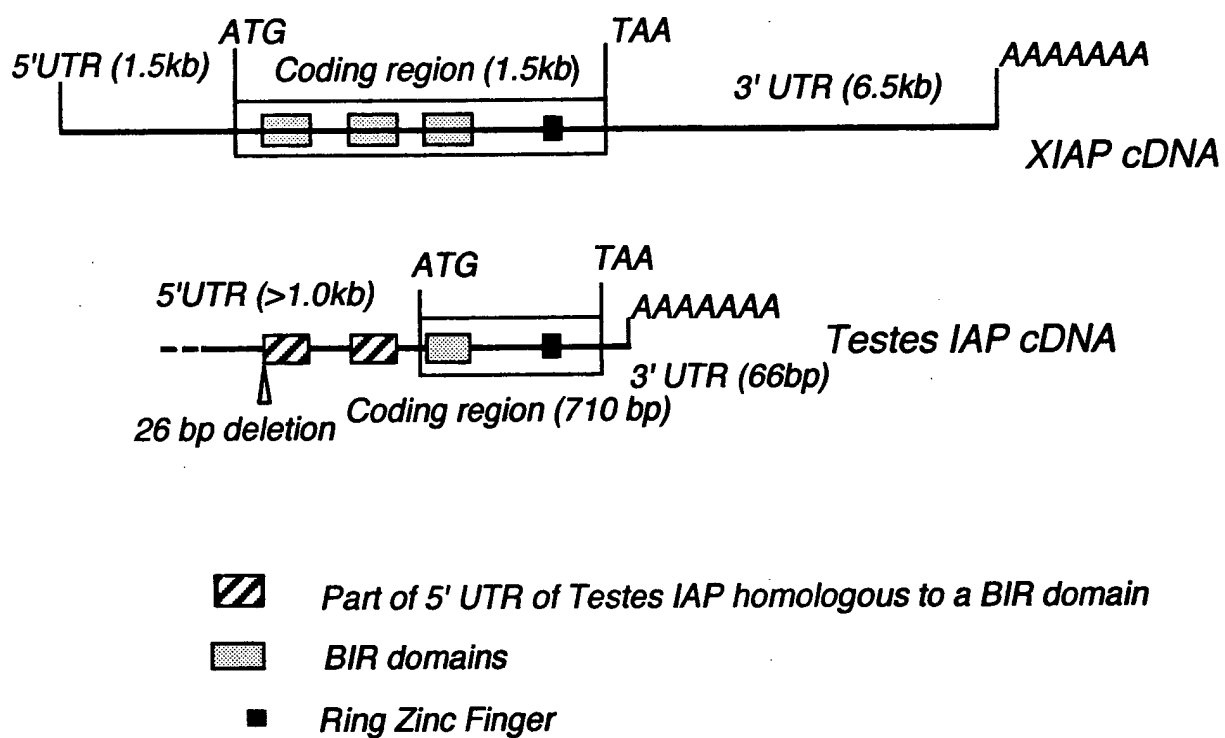


FIG. 6

5' UTR of TIAP cDNA

| | | |
|-----|--|-----|
| 1 | CAACTACACACGTGTGTGTGCGCGTGTGTATAAAACACAGTGCAC TAATA | 50 |
| 51 | CTCAGCCTTTAAAAAAATGCCACTTGCAACAACGTAGATGGAGCTGGAC | 100 |
| 101 | GATATCATGCTAAAATTATGCAAAGTGAAACAAGCACAAAAAGAACGAG | 150 |
| 151 | ACACGGGCGTG GGGGCACGAGGTGCTCACTGXGCAAGCGCCCACTCCACCG | 200 |
| 201 | CGTGGTTTCCAGCTGGAGGCTGGGAGCGTXXGTGGCTTCCTCTTTTCTTG | 250 |
| 251 | CTGACCCTTCGGAGCTCTGGGAAGTGGCTGCACCTTGGCGGCTCCCCAGA | 300 |
| 301 | GCGCGCGGTGCTAATCGTGGGTCGTCAGCCTGGGTGGCTGGGCCCGGCTT | 350 |
| 351 | AGGGCAGGGTTTGGCATTTC CAATGGTAGGGGGCTCGGACCGTCCCTCCG | 400 |
| 401 | CGGGACCCTCCCGTTGGGACAAGGCCGATCGCCTGGGCGGTGGAGCCGC | 450 |
| 451 | TATCCTGGCGCGAGACGGTGGACAAGTCCTATATTCAAGAGAAGATAACT | 500 |

5'UTR probe

Equivalent position of
XIAP start codon

FIG. 7A

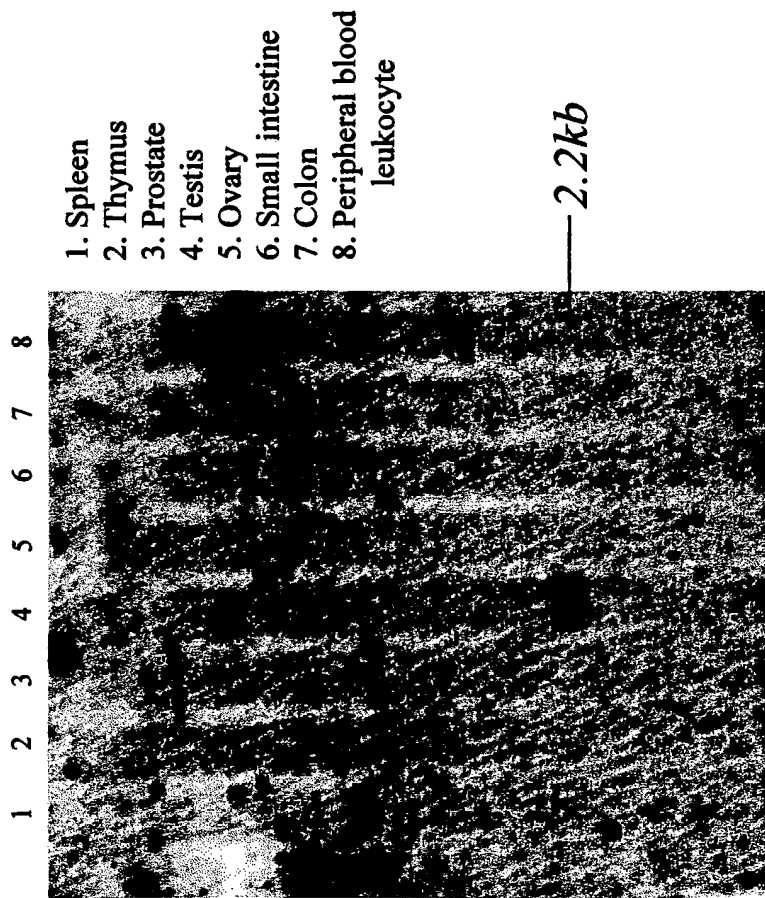


FIG. 7B

